**Charakterystyka nauczycieli akademickich**

**Informacje podstawowe**

|  |  |
| --- | --- |
| Imię i nazwisko: | **Magdalena Ślusarz** |
| Tytuł naukowy/dziedzina, stopień naukowy/dziedzina oraz dyscyplina, tytuł zawodowy (w przypadku tytułu zawodowego lekarza – specjalizacja), rok uzyskania tytułu/stopnia naukowego/tytułu zawodowego: | |
| **Doktor Nauk Chemicznych (2006)** | |
| Wykaz zajęć/grup zajęć i godzin zajęć prowadzonych na ocenianym kierunku przez nauczyciela akademickiego lub inną osobę w roku akademickim, w którym przeprowadzana jest ocena. | |
| Chemia: **Technologia Informacyjna (30h)**, **Seminarium magisterskie (60h)**, **Pracownia dyplomowa (180h)**, **Pracownia specjalizacyjna (180h)**, **Pracownia magisterska (180h)** | |
| Charakterystyka dorobku naukowego ze wskazaniem dziedzin nauki/sztuki oraz dyscypliny/dyscyplin naukowych/artystycznych, w której/których dorobek się mieści (do 600 znaków) oraz wykaz **co najwyżej 10** najważniejszych osiągnięć naukowych/artystycznych ze szczególnym uwzględnieniem ostatnich 6 lat, wraz ze wskazaniem dat uzyskania (publikacji naukowych/osiągnięć artystycznych, patentów i praw ochronnych, zrealizowanych projektów badawczych, nagród krajowych/międzynarodowych za osiągnięcia naukowe/artystyczne), ze szczególnym uwzględnieniem osiągnięć odnoszących się do ocenianego kierunku i prowadzonych na nim zajęć. | |
| Dorobek naukowy mieści się w dziedzinie nauk ścisłych i przyrodniczych, w dyscyplinie nauki chemiczne. Badania obejmują modelowanie molekularne białek oraz ich oddziaływania z innymi cząsteczkami: białkami, peptydami a także niskocząsteczkowymi cząsteczkami. Badane związki (np. białka błonowe: GPCR czy białka osłonki wirusów) są cząsteczkami wykazującymi aktywność biologiczną, a poznanie ich struktury oraz oddziaływania z innymi biomolekułami przyczynia się do lepszego zrozumienia mechanizmu ich działania i projektowanie nowych, skuteczniejszych leków.  10 publikacji z 6 ostatnich lat:   1. Graul Małgorzata, Karska Natalia, Wąchalska Magda, Krupa Paweł, Ślusarz Magdalena, Lubocki Marcin, Bieńkowska-Szewczyk Krystyna, Rodziewicz-Motowidło Sylwia, Sieradzan Adam, Lipińska Andrea: The N-terminal proline hinge motif controls the structure of bovine herpesvirus 1-encoded inhibitor of the transporter associated with antigen processing required for its immunomodulatory function, Journal of Molecular Biology, Elsevier, vol. 435, nr 5, 2023, Numer artykułu: 167964, s. 1-24, DOI:10.1016/j.jmb.2023.167964, 140 punktów, IF(6,151) 2. Ślusarz Magdalena: Molecular insights into the mechanism of sugar-modified enkephalin binding to opioid receptors, Computational Biology and Chemistry, nr 101, 2022, Numer artykułu: 107783, s. 1-11, DOI:10.1016/j.compbiolchem.2022.107783, 70 punktów, IF(3,737) 3. Antoniak Anna, Biskupek Iga, Bojarski Krzysztof, Czaplewski Cezary, Giełdoń Artur, Kogut Mateusz, Kogut Małgorzata, Lipska Agnieszka, Liwo Józef Adam, Marcisz Mateusz: Modeling protein structures with the coarse-grained UNRES force field in the CASP14 experiment, Journal of Molecular Graphics & Modelling, vol. 108, 2021, Numer artykułu: 108008, s. 1-11, DOI:10.1016/j.jmgm.2021.108008, 70 punktów, IF(2,942) 4. Karska Natalia, Graul Małgorzata, Sikorska Emilia, Ślusarz Magdalena, Zhukov Igor, Kasprzykowski Franciszek, Kubiś Agnieszka, Lipińska Andrea, Rodziewicz-Motowidło Sylwia: Investigation of the effects of primary structure modifications within the RRE motif on the conformation of synthetic bovine herpesvirus 1‐encoded UL49.5 protein fragments, Chemistry & Biodiversity, vol. 18, nr 2, 2021, Numer artykułu: e2000883, s. 1-16, DOI:10.1002/cbdv.202000883, 70 punktów, IF(2,745) 5. Mazuryk Jarosław, Puchalska Izabela, Koziński Kamil, Ślusarz Magdalena, Ruczyński Jarosław, Rekowski Piotr, Rogujski Piotr, Skowron Piotr, Rodziewicz-Motowidło Sylwia, Mucha Piotr: PTD4 peptide increases neural viability in an in vitro model of acute ischemic stroke, International Journal of Molecular Sciences, vol. 22, nr 11, 2021, Numer artykułu: 6086, s. 1-22, DOI:10.3390/ijms22116086, 140 punktów, IF(6,208) 6. Karczyńska Agnieszka, Zięba Karolina, Uciechowska Urszula, Lubecka Emilia, Lipska Agnieszka, Sikorska Celina, Samsonov Sergey, Sieradzan Adam, Giełdoń Artur, Liwo Adam: Improved consensus-fragment selection intemplate-assisted prediction of protein structureswith the UNRES force field in CASP13, Journal of Chemical Information and Modeling, vol. 60, nr 3, 2020, s. 1844-1864, DOI:10.1021/acs.jcim.9b00864, 100 punktów, IF(4,956) 7. Karska Natalia, Graul Małgorzata, Sikorska Emilia, Zhukov Igor, Ślusarz Magdalena, Kasprzykowski Franciszek, Lipińska Andrea, Rodziewicz-Motowidło Sylwia: Structure determination of UL49.5 transmembrane protein from bovine herpesvirus 1 by NMR spectroscopy and molecular dynamics, Biochimica et Biophysica Acta-Biomembranes, vol. 1861, nr 5, 2019, s. 926-938, DOI:10.1016/j.bbamem.2019.02.005, 100 punktów, IF(3,411) 8. Lubecka Emilia, Karczyńska Agnieszka, Lipska Agnieszka, Sieradzan Adam, Zięba Karolina, Sikorska Celina, Uciechowska Urszula, Samsonov Sergey, Golon Łukasz, Giełdoń Artur: Evaluation of the scale-consistent UNRES force field in template-free prediction of protein structures in the CASP13 experiment, Journal of Molecular Graphics & Modelling, vol. 92, 2019, s. 154-166, DOI:10.1016/j.jmgm.2019.07.013, 70 punktów, IF(2,079) 9. Zięba Karolina, Ślusarz Magdalena, Ślusarz Rafał, Liwo Józef Adam, Czaplewski Cezary, Sieradzan Adam: Extension of the UNRES coarse-grained force field to membrane proteins in the lipid bilayer, Journal of Physical Chemistry B, American Chemical Society, vol. 123, nr 37, 2019, s. 7829-7839, DOI:10.1021/acs.jpcb.9b06700, 140 punktów, IF(2,857) 10. Karczyńska Agnieszka, Mozolewska Magdalena, Krupa Paweł, Giełdoń Artur, Bojarski Krzysztof, Zaborowski Bartłomiej, Liwo Józef Adam, Ślusarz Rafał, Ślusarz Magdalena, Czaplewski Cezary: Use of the UNRES force field in template-assisted prediction of protein structures and the refinement of server models: Test with CASP12 targets, Journal of Molecular Graphics & Modelling, vol. 83, 2018, s. 92-99, DOI:10.1016/j.jmgm.2018.05.008, 25 punktów, IF(1,863) | |
| Charakterystyka doświadczenia i dorobku dydaktycznego (do 600 znaków) oraz wykaz **co najwyżej 10** najważniejszych osiągnięć dydaktycznych ze szczególnym uwzględnieniem ostatnich 6 lat, wraz z wskazaniem dat uzyskania (np. autorstwo podręczników/materiałów dydaktycznych, wdrożone innowacje dydaktyczne, nagrody uzyskane przez studentów, nad którymi nauczyciel akademicki sprawował opiekę naukową/artystyczną, opieka nad beneficjentem Diamentowego Grantu, uruchomienie nowego kierunku studiów/specjalności/ zajęć/grupy zajęć, opieka nad kołem naukowym, prowadzenie zajęć w języku obcym, w tym w uczelni zagranicznej, np. w ramach mobilności nauczycieli akademickich). | |
| Prowadzone zajęcia dydaktyczne obejmują przedmioty związane z prowadzonymi badaniami naukowymi prowadzonymi metodami chemii komputerowej (np. Technologia Informacyjna czy Modelowanie Struktury Biocząstek). Zajęcia prowadzone są na kierunkach takich jak Chemia, Ochrona środowiska, Biznes chemiczny, Bioinformatyka oraz Digital Chemistry (kierunek w języku angielskim). Dorobek dydaktyczny obejmuje także opiekę nad pracami licencjackimi i magisterskimi. W latach 2017-2022 było to 7 prac licencjackich, obecnie dwie prace magisterskie: jedna na kierunku Chemia (2023) oraz druga, realizowana na anglojęzycznym kierunku Digital Chemistry (2024). Dodatkowo byłam promotorem pomocniczym prac doktorskich, ostatnia w roku 2022.  Osiągnięcia dydaktyczne z 6 ostatnich lat:   * przedmiot autorski: Receptory i sygnalizacja komórkowa * przedmiot autorski: Technologia informacyjna II * prowadzenie kursu Technologia Informacyjna na PE UG * współautorstwo cyklu ćwiczeń z Technologii Informacyjnej * współautorstwo ćwiczeń z przedmiotu ABC IT | |